



16S rDNA-500 (BLAST) 報告書

シリアル番号 XXXXXxx
管理番号 SIID 00000
作業完了日 202x 年 xx 月 xx 日
発行日 202x 年 xx 月 xx 日

極秘資料

本報告書の使用にあたっての確認事項

1. 本報告書は株式会社テクノスルガ・ラボ 技術責任者による承認済みです。
2. 研究発表（論文投稿）や特許明細書への転用を除き、本報告書の一部または全部をそのままあるいは改変して第三者へ転用などされた場合には、株式会社テクノスルガ・ラボは一切の責任を負いかねます。
3. 当社受託サービス等は、試験・研究用途を目的として販売しております。当社受託サービスを医療や臨床診断などの試験・研究目的以外へご使用される場合、これに起因する損失・損害等については、当社では一切の責任を負いかねます。

技術責任者

印

株式会社テクノスルガ・ラボ 研究センター 技術部

〒424-0065 静岡県静岡市清水区長崎 388 番地の 1

TEL : 054-349-6211 FAX : 054-349-6121

Mail : tsl-contact@tecsrg.co.jp



検体情報

備考



目的

16S rDNA (16S rRNA 遺伝子) の部分塩基配列を決定します。

方法

1. 培養条件

- ・ 培地 SCD 寒天 (Becton Dickinson, USA)
- ・ 培養温度 30°C
- ・ 培養時間 24 時間
- ・ その他条件 好気培養

2. 16S rDNA 部分塩基配列解析

- ・ DNA 抽出 アクロモペプチダーゼ (FUJIFILM Wako Pure Chemical, Japan)
- ・ PCR 増幅 PrimeSTAR HS DNA Polymerase (Takara Bio, Japan)
- ・ サイクルシーケンス BigDye Terminator v3.1 Cycle Sequencing Kit (Applied Biosystems, USA)
- ・ 使用プライマー¹⁾ PCR 増幅: 9F, 1406R
シーケンス (約 500 bp): 9F, 536R
- ・ シーケンス ABI PRISM 3500xL Genetic Analyzer System (Applied Biosystems)
- ・ 塩基配列決定 ChromasPro 2.1 (Technelysium, AUS)
- ・ BLAST 相同性検索²⁾ 解析ソフトウェア: ENKI v3.2 (TechnoSuruga Laboratory, Japan)
データベース
国際塩基配列データベース (DDBJ/ENA/EMBL)/GenBank
検索日: 202x 年 xx 月 xx 日

* 塩基配列は、シーケンサーからの生データ（エレクトロフェログラム）を当社技術者が目視により確認し、修正を行った後に決定しています。

* 会社名、製品名は、一般に各社の日本および各国での商標または登録商標です。

結果

1. SIID00000

表 1. SIID00000 の国際塩基配列データベースに対する BLAST 検索結果
相同性スコアで上位 30 に検索された 16S rDNA 塩基配列データ

登録名	株名	Accession No.	相同性率
Stenotrophomonas sp.	Esraa 2	MT633120	487/491 (99.2%)
Stenotrophomonas maltophilia	NEB515	CP051467	487/491 (99.2%)
Stenotrophomonas sp.	NA11015	AB921262	487/491 (99.2%)
Stenotrophomonas maltophilia	NCTC10498	CP049956	487/491 (99.2%)
Stenotrophomonas maltophilia	ISO66	MN955420	487/491 (99.2%)
Stenotrophomonas maltophilia	ICU331	CP040440	487/491 (99.2%)
Stenotrophomonas maltophilia	Sm53	CP040430	487/491 (99.2%)
Stenotrophomonas maltophilia	NS-24	MN508609	487/491 (99.2%)
Stenotrophomonas maltophilia	FDAARGOS_649	CP044092	487/491 (99.2%)
Stenotrophomonas maltophilia	IAM 12423	MN240936	487/491 (99.2%)
Stenotrophomonas maltophilia	cjy119	MN177241	487/491 (99.2%)
Stenotrophomonas sp.	CSK1	MN173400	487/491 (99.2%)
Stenotrophomonas maltophilia	IAE189	MK414888	487/491 (99.2%)
Stenotrophomonas maltophilia	JCM 1983	LC379129	487/491 (99.2%)
Stenotrophomonas maltophilia	SVIA2	CP033586	487/491 (99.2%)
Stenotrophomonas sp.	CS-3	MK092990	487/491 (99.2%)
Stenotrophomonas maltophilia	Lewis_Bac_21	MH329948	487/491 (99.2%)
Stenotrophomonas maltophilia	Lewis_Bac_13	MH329940	487/491 (99.2%)
Stenotrophomonas maltophilia	Lewis_Bac_6	MH329934	487/491 (99.2%)
Stenotrophomonas maltophilia	Lewis_Bac_5	MH329933	487/491 (99.2%)
Stenotrophomonas maltophilia	FC6833	MH628244	487/491 (99.2%)
Stenotrophomonas maltophilia	AY2	MH478205	487/491 (99.2%)
Stenotrophomonas maltophilia	NCTC10498	LS483406	487/491 (99.2%)
Stenotrophomonas maltophilia	NCTC10258	LS483377	487/491 (99.2%)
uncultured bacterium	-	MW862676	487/491 (99.2%)
Stenotrophomonas maltophilia	Cr30	MW530514	487/491 (99.2%)
Stenotrophomonas maltophilia	FDAARGOS_1044	CP065965	487/491 (99.2%)
uncultured bacterium	-	MT318637	487/491 (99.2%)
Stenotrophomonas maltophilia	UHH_ICU331	CP060026	487/491 (99.2%)
Stenotrophomonas maltophilia	WP1-W18-CRE-01	AP021908	487/491 (99.2%)

本報告書に付随する電子データ一覧

データ内容	形式
塩基配列テキストファイル	txt
エレクトロフェログラム	ab1

補足

1. 国際塩基配列データベース (DDBJ/ENA(EMBL)/GenBank) に対する相同性検索の結果は、検索を実施した時点の情報です。国際塩基配列データベースの登録情報は常に更新されており、論文などを投稿する前には、再度相同性検索することをお勧めします。
2. 本報告書に関するご質問等につきましては、株式会社テクノスルガ・ラボ 技術部までお問い合わせください。

引用文献

- 1) 中川恭好, 川崎浩子. 遺伝子解析法 16S rRNA 遺伝子の塩基配列決定法. 日本放線菌学会編集. 放線菌の分類と同定. 東京: 日本学会事務センター; 2001. pp. 88-117.
- 2) Altschul SF, Madden TF, Schäffer AA, Zhang J, Zhang Z *et al.* Gapped BLAST and PSI-BLAST: a new generation of protein database search programs. *Nucleic Acids Res* 1997;25:3389-3402.